

简历

曲小健

男，中共党员，副教授，硕士生导师。

单位：山东师范大学生命科学学院

地址：山东省济南市历下区文化东路 88 号

邮箱：quxiaojian@sdu.edu.cn

电话：18313801004

个人简介

中国科学院昆明植物研究所植物学硕士、生物化学与分子生物学博士。围绕寄生植物、裸子植物、禾本科和蓼科等植物类群进行了一系列的研究工作，主要利用叶绿体基因组和转录组数据开展植物分子系统学和演化生物学研究。相关工作在 *Nature Plants*、*Plant Methods*、*Genome Biology and Evolution*、*Molecular Phylogenetics and Evolution*、*Frontiers in Plant Science*、*Plant Disease* 等刊物发表，SCI 文章被引 500 余次。其中 ESI 高被引论文 1 篇。主持中国博士后科学基金、山东省自然科学基金、中科院西部青年学者项目等多项，参与国家自然科学基金等多项。目前承担《园林植物学》、《孢子植物学》、《植物学实验》、《野外实习》、《神奇的植物》等研究生和本科生课程的教学工作。副主编《山东师范大学珍藏植物科学绘图》，参与编著《山东师范大学校园植物图志》。

工作经历

2022.1-至今，山东师范大学生命科学学院，副教授

2018.9-2021.12，山东师范大学生命科学学院，讲师

2017.9-2018.8，中科院昆明植物研究所，助理研究员

教育经历

2014.9-2017.7, 中科院昆明植物研究所, 生物化学与分子生物学, 博士

2011.9-2014.7, 中科院昆明植物研究所, 植物学, 硕士

2007.09-2011.7, 山东师范大学生命科学学院, 生物技术, 学士

研究方向

植物分子系统学与进化生物学

承担项目

山东省自然科学基金, 结合叶绿体基因组和微条形码研究裸子植物的系统发育关系, 2021.1-2023.12, 在研, 主持。

中国博士后科学基金, 基于组学数据的裸子植物系统发育和进化研究, 2019.7-2021.7, 结题, 主持。

中国科学院“西部青年学者”项目, 裸子植物叶绿体基因组系统发育和结构演化研究, 2018.1-2020.12, 结题, 主持。

国家自然科学基金国际(地区)合作与交流项目, 蔷薇目全球多样化时空格局重建, 2018.1-2022.12, 在研, 参与。

国家自然科学基金面上项目, 中缅交界高黎贡山种子植物区系及形成原因的进化与生态解释, 2016.1-2019.12, 结题, 参与。

国家自然科学基金面上项目, 滇藏交界独龙江上游地区种子植物区系与生物多样性保护研究, 2014.10-2017.12, 结题, 参与。

国家自然科学基金青年科学基金项目, 鼠李科的系统发育研究, 2013.1-2015.12, 结题, 参与。

发表论文

2022 年

Xiu-Xiu Guo †, **Xiao-Jian Qu** †, Xue-Jie Zhang*, Shou-Jin Fan*. Comparative and Phylogenetic Analysis of Complete Plastomes among Aristidoideae Species (Poaceae). *Biology*, 2022, 11, 63.

2021 年

Gregory W. Stull†, **Xiao-Jian Qu**†, Caroline Parins-Fukuchi, Ying-Ying Yang, Jun-Bo Yang, Zhi-Yun Yang, Yi Hu, Hong Ma, Pamela S. Soltis, Douglas E. Soltis, De-Zhu Li*, Stephen A. Smith*, Ting-Shuang Yi*. Gene duplications and phylogenomic conflict underlie major pulses of phenotypic evolution in gymnosperms. *Nature Plants*, 2021, 7, 1015–1025.

Rong Wang, Kuan Liu, Xue-Jie Zhang, Wen-Li Chen, **Xiao-Jian Qu***, Shou-Jin Fan*. Comparative plastomes and phylogenetic analysis of *Cleistogenes* and closely related genera (Poaceae). *Frontiers in Plant Science*, 2021, 12:638597.

Ying-Ying Yang, **Xiao-Jian Qu**, Rong Zhang, Gregory W. Stull*, Ting-Shuang Yi*. Plastid phylogenomic analyses of Fagales reveal signatures of conflict and ancient chloroplast capture. *Molecular Phylogenetics and Evolution*, 2021, 163, 107232.

Xiao-Jian Qu*, Shou-Jin Fan*. First report of the parasitic invasive weed field dodder (*Cuscuta campestris*) parasitizing the confamilial invasive weed common morning-glory (*Ipomoea purpurea*) in Shandong, China. *Plant Disease*, 2021, 105:1230.

Kuan Liu, Rong Wang, Xiu-Xiu Guo, Xue-Jie Zhang, **Xiao-Jian Qu***, Shou-Jin Fan*. Comparative and phylogenetic analysis of complete chloroplast genomes in Eragrostideae (Chloridoideae, Poaceae). *Plants*, 2021, 10(1):109.

Zhi-Fang Liu, Hui Ma, Xiu-Qin Ci, Lang Li, Yu Song, Bing Liu, His-Wen Li, Shu-Li Wang, **Xiao-Jian Qu**, Jian-Lin Hu, Xiao-Yan Zhang, John G. Conran, Alex D. Twyford*, Jun-Bo Yang*, Peter M. Hollingsworth*, Jie Li*. Can plastid genome sequencing be used for species identification in Lauraceae? *Botanical Journal of the Linnean Society*, 2021, 197, 1:1-14.

2020 年

Xiao-Jian Qu*, Shou-Jin Fan*. First report of leaf wilt caused by *Cuscuta japonica* on generally insusceptible host plant *Rhus typhina* in China. *Plant Disease*, 2020, 104:11.

Xiao-Jian Qu, Li-Kang Liu, Luo-Yan Zhang, Xue-Jie Zhang, Shou-Jin Fan*. First report of dodder (*Cuscuta japonica*) parasitizing Japanese red pine (*Pinus densiflora*) in China. *Plant Disease*, 2020, 104:6.

Kole F. Adelalu, Xu Zhang, **Xiaojian Qu**, Jacob B. Landis, Jun Shen, Yanxia Sun, Aiping Meng, Hang Sun, Hengchang Wang. Plastome phylogenomic and biogeographical study on *Thuja* (Cupressaceae). *BioMed Research International*, 2020, 8426287.

2019 年

Xiao-Jian Qu, Shou-Jin Fan, Susann Wicke*, Ting-Shuang Yi*. Plastome reduction in the only parasitic gymnosperm *Parasitaxus* is due to losses of photosynthesis but not housekeeping genes and apparently involves the secondary gain of a large inverted repeat. *Genome Biology and Evolution*, 2019, 11(10):2789-2796.

Xiao-Jian Qu, Michael J. Moore, De-Zhu Li*, Ting-Shuang Yi*. PGA: a software package for rapid, accurate, and flexible batch annotation of plastomes. *Plant Methods*, 2019, 15:1.

Luoyan Zhang, Xuejie Zhang, Mengfei Li, Ning Wang, **Xiaojian Qu**, Shoujin Fan*. Transcriptome analysis of elm (*Ulmus pumila*) fruit to

identify phytonutrients associated genes and pathways. *Forests*, 2019, 10, 738.

2017 年

Xiao-Jian Qu, Chung-Shien Wu, Shu-Miaw Chaw*, Ting-Shuang Yi*. Insights into the existence of isomeric plastomes in Cupressoideae (Cupressaceae). *Genome Biology and Evolution*, 2017, 9(4): 1110-1119.

Yin-Huan Wang, **Xiao-Jian Qu**, Si-Yun Chen, De-Zhu Li, Ting-Shuang Yi. Plastomes of Mimosoideae: structural and size variation, sequence divergence, and phylogenetic implication. *Tree Genetics & Genomes*, 2017, 13:41.

Xiao-Jian Qu, Jian-Jun Jin, Shu-Miaw Chaw, De-Zhu Li*, Ting-Shuang Yi*. Multiple measures could alleviate long-branch attraction in phylogenomic reconstruction of Cupressoideae (Cupressaceae). *Scientific Reports*, 2017, 7: 41005.